

EP-10

腫瘤壞死因子(tnf)基因多型性，霉斑或霉味及其交互作用與學童氣喘之相關研究

黃鈺斯¹ 李郁芬² 林育廷¹ 黃彬芳¹

¹中國醫藥大學職業安全與衛生學系

²中國醫藥大學公共衛生學系

背景：目前普遍認為氣喘的致病因子大致可分為基因與環境兩大部分。過去研究對於基因較著重於單一核苷酸多型性與氣喘之相關，較少有使用haplotype來進行分析，故本研究將氣喘的易感受基因*TNF*以haplotype方式進行與氣喘之探討。

目標：本研究的主要目標為探討tnf基因中四個位點(rs1800629、rs2229094、rs2256974及rs4947324)之單核苷酸多型性及其單套型，與霉斑或霉味對學童氣喘的發生之單獨效應及其交互作用。

方法：本研究使用台灣學童氣喘調查研究資料，選取台灣地區國小學童樣本1116人。病例組選取新發病氣喘之學童256名，對照組為隨機抽取未曾罹患氣喘之860名學童，共1116名學童進行病例對照之研究。探討基因單核苷酸多型性及其單套型與霉斑或霉味對於氣喘發生是否有交互作用存在。

結果：在調整干擾因子後，基因單套型為CTGC與CTAC相較於單套型為CTGA對於氣喘的危險性分別為1.2 (95% CI=0.9-1.5)、1.4 (95% CI=1.0-2.0)；基因單套型CTGC對於霉斑及霉味的危險性分別為2.3(95% CI=1.4-3.7)、2.4(95% CI=1.5-3.9)；基因單套型CTAC對於霉斑及霉味的危險性分別為3.1(95% CI=1.9-5.1)、3.1(95% CI=1.8-5.2)。

結論：本研究結果顯示，學童基因單套型為CTGC或CTAC與氣喘有顯著相關，並發現此兩種單套型在暴露霉斑或霉味的環境下得氣喘之危險性明顯高於無暴露霉斑或霉味。