# 行政院國家科學委員會專題研究計畫 成果報告

### 腐植酸造成血栓/血液凝固或動脈硬化及機制之探討

計畫類別: 個別型計畫

計畫編號: NSC91-2320-B-039-015-

執行期間: 91年08月01日至92年07月31日

執行單位: 中國醫藥大學營養學系

計畫主持人: 楊新玲

報告類型: 精簡報告

處理方式: 本計畫涉及專利或其他智慧財產權,2年後可公開查詢

中 華 民 國 92年10月31日

## 步驟:

### 一、HA 誘導 LDL 聚集作用的分析

#### (1) 改變 HA 濃度

先將分光光度計開機且將溫度控制在 37 ,石英管內加入  $140 \, \text{mM NaCl}$  之 PBS 及不同濃度的 HA 混合後加入  $200 \mu \text{g/ml}$  protein LDL( 此時總體積為  $1 \, \text{ml}$  ) ,蓋上蓋子及封 parafilm 測  $OD_{680 \, \text{nm}}$  ,每隔  $5 \, \text{min}$  測一次 。

#### (2) 改變 PBS 之 NaCl 濃度

先將分光光度計開機且將溫度控制在 37 , 石英管內加入不同濃度的 NaCl 之 PBS 及不同濃度的 HA 混合後加入 200μg/ml protein LDL( 此時總體積為 1ml ), 蓋上蓋子及封 parafilm 測 OD<sub>680nm</sub>, 每隔 5min 測一次。

#### (3) 添加砷

先將分光光度計開機且將溫度控制在 37 , 石英管內加入 140~mM NaCl 之 PBS 及  $20\mu\text{g/ml}$  HA 和不同濃度砷混和液後加入  $200\mu\text{g/ml}$  protein LDL (此時總體積為 1ml), 蓋上蓋子及封 parafilm 測  $OD_{680\text{nm}}$ , 每隔 5min 測一次 。

### 二、負染法觀察 AgLDL 的分子大小

140 mM NaCl 之 PBS 分別加入 10、 $20\mu g/ml$  HA 及  $200\mu g/ml$  protein LDL 混合後,分別在 37 反應 10min 及 40min ,反應結束後取 7.5  $\mu l$  sample 滴在 formvar 的銅網上, $5 \min$  後,用濾紙將過多的 sample 吸走,再加入  $10 \mu l$  的染劑(10% phosphotungstic acid),分別在 30 及 60 秒時用濾紙將染劑吸乾,放入乾燥箱 60 分鐘後,在穿透式電子顯微鏡下觀察。

## 結果:

#### 一、HA 誘導 LDL 聚集作用的分析

HA 會誘導 LDL 聚集作用(aggregation),利用波長 680nm 偵測 AgLDL 的程度,其吸光值越高則表示 aggregation 程度越嚴重。由圖 1 及 2 可以知道隨著 HA 的濃度增加 LDL aggregation 的程度也逐漸增加,在反應大約 30 分鐘時已達到飽和,其最高值可達到 1.4 (20 ug/ml HA)。改變 PBS 之 NaCl 濃度,對 LDL aggregation 程度的影響,NaCl 在水溶液中會解離為 Na、Cl 、Na 中 和 HA 之 COO-結合,由圖 3 及 4 可以知道隨著 NaCl 濃度增加其吸光值逐漸下降。添加 As 中 也是有同樣的結果,由圖 5 及 6 可知隨著 As 中 ) 濃度增加其吸光值逐漸下降,其下降的最低值與未經 HA 處理的 LDL 相似。

### 二、負染法觀察聚集 LDL (AgLDL) 的分子大小

利用負染法觀察 AgLDL 的分子大小,選擇其中 200 個 LDL 分子測量他的直徑。n-LDL 平均直徑大約為 22.4nm,經 HA 處理的 LDL 直徑隨著反應時間的增加而增加,反應 10分鐘及 40分鐘的 AgLDL 分子平均直徑分別為 22.66nm 25.27nm,其中反應 40分鐘的 AgLDL 分子最大為 100nm。由圖 7 可知隨著作用時間增加 LDL分子直徑在 20~29nm 的數量逐漸減少,而大於 30 nm 的分子數量逐漸增加增加。

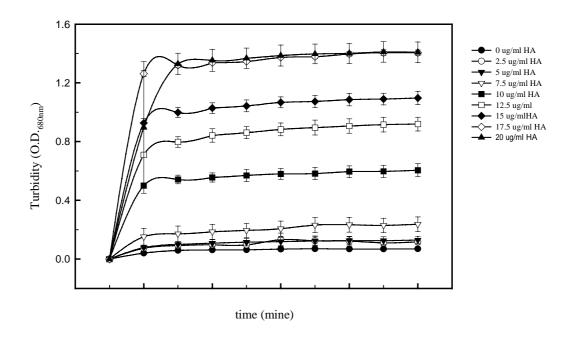


Fig.1.The aggregation of LDL (200 ug/ml) induced by HA as a function of timemonitored by the turbidity measurement at 680 nm at 37.

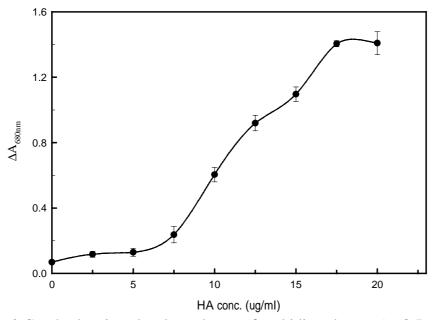


Fig.2.Graph showing the dependence of turbidity change (O.D. 680 nm) as a function of concentration of HA. The concentration of LDL was 200 ug/ml.

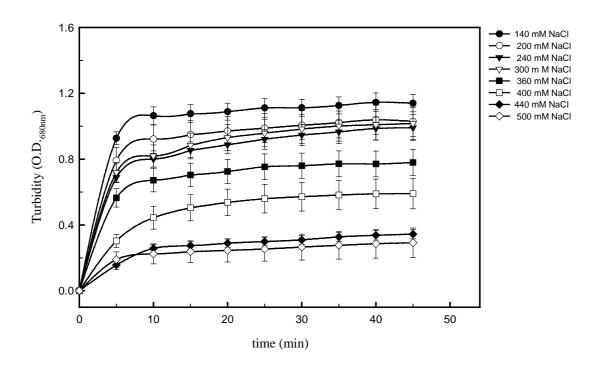


Fig.3.The aggregation of LDL (200 ug/ml) induced by HA (20 ug/ml) as a function of time at different concentrations of NaCl monitored by the turbidity measurement at 680 nm at 37 .

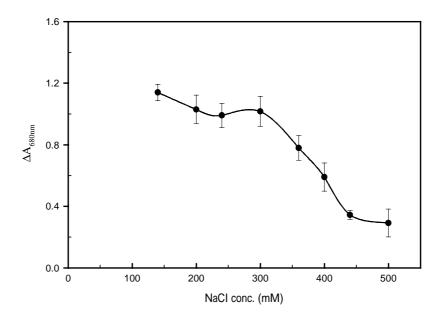


Fig.4.Graph showing the dependence of turbidity change (  $\,$  O.D. 680 nm) as a function of concentration of NaCl . The concentration of LDL and HA was 200 ug/ml and 20 ug/ml.

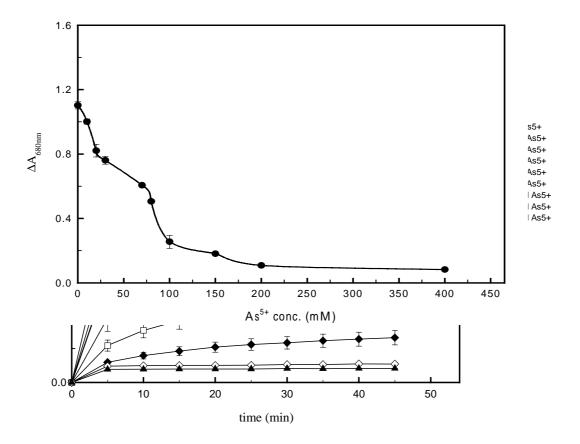
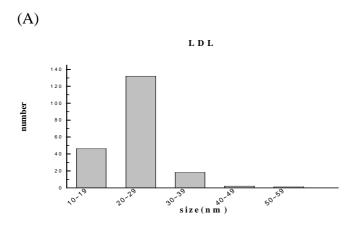
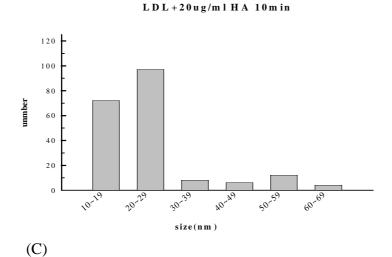


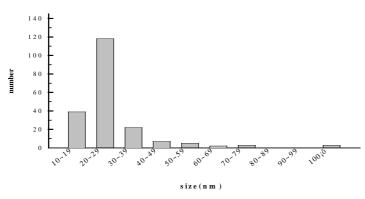
Fig.5.The aggregation of LDL (200 ug/ml) induced by HA (20 ug/ml) as a function of time at different concentrations of  $\mathrm{As}^{5+}$  monitored by the turbidity measurement at 680 nm at 37  $\,$  .

Fig.6.Graph showing the dependence of turbidity change (  $\,$  O.D. 680 nm) as a function of concentration of  $\,$  As $^{5+}$ . The concentration of LDL and HA was 200 ug/ml and 20 ug/ml.



(B)





 $L\ D\ L\ +\ 2\ 0\ u\ g\ /m\ 1\ H\ A\ 4\ 0\ m\ in$ 

**Fig.7. Electron microscopic analysis of HA treated LDL particles.** LDL (200ug protein/ml) was incubated at 37 for 10 min and 40 min with 20ug/ml HA. The LDL particles were examined by electron microscopy after negative staining, and size distributions of the negatively stained particles were determined.(A) native LDL; (B) HA treat LDL incubator 10min; (c) HA treat LDL incubator 40min.