

表十九 在乳癌患者中，TNM stage 與 apoE 基因多型性之相關性

Stage	Allele frequency (%)			Genotype <sup>a</sup> , n (%)			ApoE vs. TNM stage			
	n	e2	e3	e4	e2	e3	e4	$\chi^2$	df	p
T stage <sup>b</sup>										
i.s.	8	6.3	87.5	6.3	1 (12.5)	6(75.0)	1(12.5)	5.881 <sup>e</sup>	8	0.661
1	96	9.4	69.3	21.4	13 (13.5)	46 (47.9)	37(38.5)			
2	155	11.9	67.4	20.6	30(19.4)	71(45.8)	54 (34.8)			
3	25	10.0	74.0	16.0	4 (16.0)	14 (56.0)	7(28.0)			
4	5	0.0	80.0	20.0	0 (0)	3(60.0)	2 (40.0)			
N stage <sup>c</sup>										
0	193	9.6	69.9	20.5	29(15.0)	96(49.7)	68(35.2)	1.523 <sup>f</sup>	4	0.822
1	83	12.7	67.5	19.9	17 (20.5)	37(44.6)	29(34.9)			
2	13	11.5	73.1	15.4	2(15.4)	7(53.8)	4(30.8)			
M stage <sup>d</sup>										
0	286	10.7	69.1	20.3	48(16.8)	137 (47.9)	101 (35.3)	2.159 <sup>g</sup>	2	0.34
1	2	0.0	100	0.0	0 (0)	2 (100)	0 (0)			

<sup>a</sup> ApoE 基因型分類成 e2 carrier (2/2, 2/3, 2/4), e3 carrier (3/3) 及 e4 carrier (3/4, 4/4), <sup>b</sup>Primary tumor stage. <sup>c</sup>Regional lymph nodes stage. <sup>d</sup>Distant metastasis stage. <sup>e</sup>46.7%的預期個數小於 5, p 值不被接受。 <sup>f</sup>22.2%的預期個數小於 5, p 值不被接受。 <sup>g</sup>50.0%的預期個數小於 5, p 值不被接受。