

表十 在乳癌患者中，TNM stage 與 PPAR a V227A mutation 之相關性

Stage	n	Allele frequency (%)		PPARa V227A allele carriers ^a		T-allele carriers vs. C-allele carriers		
		T	C	T-allele carriers (%)	C-allele carriers (%)	χ^2	df	<i>p</i>
T stage ^b								
i.s.	8	93.8	6.2	7 (87.5)	1 (12.5)	3.656 ^e	4	0.455
1	96	94.8	5.2	86 (89.6)	10 (10.4)			
2	155	97.1	2.9	147 (94.8)	8 (5.2)			
3	25	98.0	2.0	24 (96.0)	1 (4.0)			
4	5	100.0	0.0	5 (100.0)	0 (0.0)			
N stage ^c								
0	193	95.9	4.1	178 (92.2)	15 (7.8)	1.287	2	0.525
1	83	97.0	3.0	78 (94.0)	5 (6.0)			
2	13	100.0	0.0	13 (100.0)	0 (0.0)			
M stage ^d								
0	286	96.5	3.5	267 (93.4)	19 (6.6)	0.142 ^f	1	0.706
1	2	100.0	0.0	2 (100.0)	0 (0.0)			

^aV227A 分 V 表現型(codon:GTC)及 A 表現型(codon:GCC), 其中 T-allele carriers 包含表現型 V/V , C-allele carriers 包含表現型 V/A 及 A/A。 ^bPrimary tumor stage。 ^cRegional lymph nodes stage。 ^dDistant metastasis stage。 ^e40.0%的預期個數小於 5 , *p* 值不被接受。 ^f50.0%的預期個數小於 5 , *p* 值不被接受。